

Prosigna.

BREAST CANCER ASSAY

Test di 2^a generazione
che informa in modo più completo
le decisioni di trattamento.



CONTRASSEGNA TO CE-IVD
LINEE GUIDA RACCOMANDATE

Punteggio
prognostico
più accurato

Sottotipo
intrinseco
identificato

Fattori
patologici
clinici integrati

 veracyte.

Prosigna® identifica in modo più accurato il gruppo a basso rischio con i risultati migliori e il gruppo ad alto rischio con i risultati peggiori¹.

TEST DI 2ª GENERAZIONE (Prosigna®)

- 50 geni
- Espressione del gene + caratteristiche cliniche
- Procedura di test locale



Il **27%** dei pazienti è a **basso rischio** con un tasso del 92,3% di DRFS*

Il **38%** dei pazienti è a **rischio intermedio** con un tasso del 79,6% di DRFS*

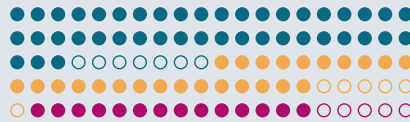
Il **35%** dei pazienti è ad **alto rischio** con un tasso del 69,9% di DRFS*

- Nessuna recidiva
- Recidiva

PROGNOSI DI 10 ANNI

TEST DI 1ª GENERAZIONE

- 21 geni
- Solo espressione del gene
- I campioni devono essere inviati negli USA



Il **50%** dei pazienti è a **basso rischio** con un tasso del 85,4% di DRFS*

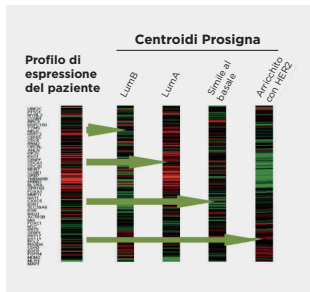
Il **31%** dei pazienti è a **rischio intermedio** con un tasso del 79,8% di DRFS*

Il **19%** dei pazienti è ad **alto rischio** con un tasso del 74,9% di DRFS*

- Nessuna recidiva
- Recidiva

PROGNOSI DI 5 ANNI

L'algorithmo convalidato clinicamente genera un punteggio Prosigna® per ogni paziente.



Stato dei linfonodi
Linfonodo 0
Linfonodo 1-3

Dimensione approssimativa del tumore
<2 cm
≥2 cm

Punteggio Prosigna® =

$aR_{LumA} +$
 $bR_{LumB} +$
 $cR_{Her2e} +$
 $dR_{Basal} +$

Correlazione di Pearson ai centroidi

$eP +$
 fT

Dimensione tumore
punteggio iordo proliferazione

Report paziente



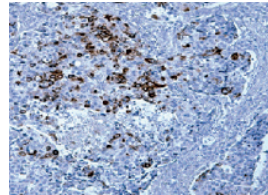
*DRFS: Sopravvivenza a distanza di tempo senza recidiva.

La probabilità di sviluppare recidiva è stata ottenuta dall'analisi dei dati rilevati dello studio TransATAC (Sestak I, Dowsett M, Czuzik J. NICE Request - TransATAC Data Analysis - 2017. Illustration adapted from HarnanS et al. Tumour profiling tests to guide adjuvant chemotherapy decisions in early breast cancer Health Technol Assess. 2019 Jun;23(30):1-328

Come funziona il test Prosigna®?

1

Estrarre RNA
dal campione di
tumore **FFPE* WLE**



2

Testare RNA usando
il test Prosigna® sul
sistema di analisi
nCounter



3

Cogliere il profilo
di espressione
del tumore del
paziente

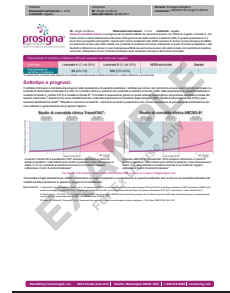
BRIS1
CCNE1
GRIK7
GRIK7
TME45B
ERBB2
BLVRA
OPK10
FOXA1
MMP11
NAT1
CXCR5
ESR1
ILCBAB



4

Report paziente

- **Sottotipo intrinseco identificato**
- **Rischio di recidiva (ROR)**
entro **10 anni**
- **Rischio di recidiva (ROR)**
a **5-10 anni** (recidiva tardiva)
- **Fattori clinico-patologici** come
dimensione del tumore e stato
dei linfonodi incorporati nel
punteggio



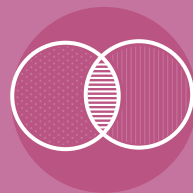
*FFPE: Formalin Fixed Paraffin Embedded Tissue.

Informazioni più **complete**
per migliori **decisioni relative**
al trattamento.

Prosigna[®]
BREAST CANCER ASSAY



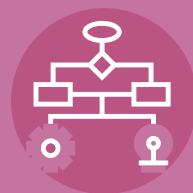
Fornisce una prognosi più accurata, che sta alla **base delle raccomandazioni di trattamento**¹.



Prosigna[®] combina **l'espressione genomica del tumore e fattori clinico-patologici** in un singolo punteggio di rischio di recidiva (ROR) a 10 anni^{2,3}.



L'unico test prognostico di cancro al seno che identifica i **quattro sottotipi molecolari PAM50**.



Facile accesso ai test locali con **tempi di risposta più rapidi**.

1. Sestak I, Buus R, Cuzick J, *et al.* JAMA Oncol. 2018; 4(4):545-553

2. Kos *et al.* Breast Cancer Res, 2014, 16:103

3. Alexandre *et al.* Cancer Manag Res, 2019; 11: 10353-10373